

## VAAM/DGHM-Fachgruppe Funktionelle Genomik und Bioinformatik Mikrobiologie in der digitalen Ära

■ Unter dem Motto *Microbiology in the Digital Era* begrüßte die Fachgruppe Funktionelle Genomik und Bioinformatik im Rahmen der Jahrestagung in Würzburg sechs Sprecher:innen aus verschiedenen Abschnitten ihres beruflichen Lebens sowie ungefähr 120 Zuhörende.

Adrian Viehweger (Leipzig) zeigte auf, wie *Large Language Models* in Zukunft eingesetzt werden könnten, um praktizierende Ärzte bei der Wahl der richtigen Antibiotika zu unterstützen. Isabel Schober (Braunschweig) stellte mit *StrainRegistry* eine neue Schnittstelle zwischen Forschenden und der DSMZ vor, die das Einlagern, Teilen und Wiederverwenden mikrobiologischer Proben vereinfachen soll. Am Beispiel von sich saisonal verändernden Mikrobiomen entlang der Ostseeküste demonstrierte Anna Sophia Kujat (Rostock) ihren Ansatz, mit Hilfe von linguistischen Methoden und maschinellem Lernen komplexe metagenomische Datensätze interpretierbar zu machen.

Jakob Kasimir Warweitzky (Hannover) stellte seine Ergebnisse zum Einfluss verschiedener OprD-Mutationen aus knapp 5000 klinischen *P. aeruginosa*-Isolaten auf die Carbapenem-Resistenz vor. Den kurzzeitigen Ausfall der Saaltechnik überbrückte er gekonnt, bevor Rune Höper (Berlin) schilderte, wie er mikrobielle Gemeinschaften aus dem Blickwinkel limitierter Ressourcen mathematisch zu modellieren und zu verstehen sucht. Den Abschluss bildete Torsten Semmler (Berlin) als RKI-Vertreter mit der Vorstellung der Entwicklung eines integrativen genomischen Überwachungsprojekts (IGS) für Pathogene. Die lebhaften Diskussionen wurden nach der Session fortgeführt, und wir hoffen, zur nächsten VAAM-Tagung

in Bochum (oder bei der DGHM in Jena) wieder viele Interessierte begrüßen zu dürfen. ■

Anne Busch und Niclas Nordholt  
anne.busch@uni-jena.de,  
niclas.nordholt@bam.de



Die Sprecherinnen und Sprecher in der Fachgruppen-Sitzung.  
Foto: Franziska Pietsch

## Schlegel-Lecture 2024



Fotos: Störiko

■ Mit der Schlegel-Lecture 2024 ehrte das Würzburger Veranstaltungsteam im Namen der VAAM Ulla Bonas aus Halle (links). Sie beschrieb in ihrem Vortrag, wie ein pathogenes Bakterium Pflanzen manipuliert. Die Laudatio hielt Regina Kahmann aus Marburg. ■

(stö)



## Leider hatte sich hier der Fehlerteufel eingeschlichen:

### Promotionen Mikrobiologie 2023 – Korrekturen

#### Goethe-Universität Frankfurt

**Florian Kremp:** Investigating the metabolism of *Sporomusa ovata*: Discovery of the *Sporomusa*-type Nfn and the diversity of methylene-THF reductases in acetogenic bacteria, *Betreuer: Volker Müller*

**Alexander Katsyv:** Untersuchung zum Metabolismus und zur Energiekonservierung im thermophilen, acetogenen Bakterium *Thermoanaerobacter kivui*, *Betreuer: Volker Müller*

**Moritz Drechsler:** Identification of new natural products from nematode-associated bacteria using mass spectrometry, *Betreuer: Helge Bode*

#### Universität Kiel

**Yiqing Wang:** The evolution of plasmid gene content in Enterobacteriaceae, *Betreuerin: Tal Dagan*